

CODE BOOK

Diagnostický seznam
Книга кодов



for / pro / для MIKROLATEST®

NEISSERIAtest

Erba Lachema s.r.o.



Introduction

The codebook for NEISSERIAtest is designed to identify bacteria using the MIKRO-LA-TEST NEISSERIAtest test kit. The identification, ie interpretation of the result, can be done in three ways:

1. **manually** - by comparing the result with the data in the differentiation table
2. **using an identification program** (eg ErbaExpert)
3. **using this codebook**

All of the mentioned identification methods are based on the data of the identification matrix (frequency matrix, etc.), ie table containing taxa, tests and percentages of positive reactions of particular tests for each taxon. The taxon may be:

- genus - *Morganella sp.*
- species - *Morganella morganii*
- subspecies - *Morganella morganii ssp. morganii*

The codebook contains the identification results using the NEISSERIAtest set ordered according to the value of the so-called profile code. Sorting results by the value of the profile code allows for easy and fast search. The identification quality evaluation for each profile code is based on the calculation of the probability of the result from the identification matrix data; the evaluation is detailed below.

Creating a profile code

For easier identification, it is advisable to convert the obtained results of each test (+/-) into a numerical profile (octal code). Tests are first divided into groups:

GLU	MLT	FRU	SUC	GGT	TRB	SPS		
1			2			3		

The test groups are created in accordance with the sequence of tests in the strip.

The last group is incomplete and contains the remaining strip tests.

In each created group, there are assigned values 1, 2, and 4 to the particular tests according to the following scheme:

GLU	MLT	FRU	SUC	GGT	TRB	SPS		
1	2	4	1	2	4	1		

When creating a profile code for a specific result, proceed as follows:

- positive tests are assigned 1, 2 or 4 values
- negative tests are always assigned a zero value
- the values assigned to the tests are added in each test group
- the resulting group of numbers represents the **profile code**

GLU +	MLT -	FRU -	SUC +	GGT +	TRB +	SPS +		
1	0	0	1	2	4	1		
1			7			1		

In this example, a profile **171** was created.

The results are organized in the codebook according to the value of the profile code in ascending order.

Using the codebook

The following information is provided for each profile code in the codebook:

- Profile code.
- Identification score and T-index values. They are listed for each taxon:

Identification score – the taxon with the highest value is ranked first; the identification score indicates the probability of occurrence of a given result for that taxon, related to the probability of occurrence of the result for all other taxa.

Identification score ≥ 99 ... the strain is excellently distinguished

Identification score ≥ 95 ... the strain is very good distinguished

Identification score ≥ 90 ... the strain is distinguished

Identification score < 90 ... the strain is not sufficiently distinguished

T-index – an indication of the extent to which the result corresponds to the most typical result for that taxon; an entirely typical result corresponds to a T-index value equal to 1. The value may lie in the range from 0 to 1 and is inversely proportional to the number of atypical tests.

T-index $\geq 0,75$... typical strain

T-index $\geq 0,50$... less typical strain

T-index $\geq 0,25$... atypical strain

T-index $< 0,25$... completely atypical strain

- **List of atypical characters (tests)** - the list is given only for the first taxon; the percentage of positive reactions is given for every atypical test.
- **List of additional tests** – if taxa are insufficiently differentiated, additional tests allow for more accurate identification. Additional tests show percentages of positive reactions.

If the profile code in the diagnostic list is not listed, it is a very atypical result, or it is a taxon that is not included in the identification matrix.

List of taxa used to create a codebook

Moraxella (Branhamella) catarrhalis

Neisseria cinerea / elongata

Neisseria flavescens

Neisseria gonorrhoeae

Neisseria lactamica

Neisseria meningitidis

Neisseria polysaccharea

Neisseria sicca / mucosa

Neisseria subflava

List of tests used to create a codebook

Basic set of tests

GLU acid from glucose
MLT acid from maltose
FRU acid from fructose
SUC acid from saccharose
GGT gamma-glutamyl transferase
TRB tributyrin decomposition
SPS polysaccharide synthesis

Additional (distinguishing) tests

ONP beta-galactosidase (ONPG)
OXI oxidase (Kovács)
DNA DNase (25°C)
TMA growth on Thayer-Martin agar

Введение

Кодовая книга для НЕЙССЕРИЯтест предназначена для идентификации бактерий с использованием тестового набора MIKRO-LA-TEST НЕЙССЕРИЯтест. Идентификация, т.е. интерпретация результата, может быть выполнена тремя способами:

- 1. вручную - путем сравнения результата с данными в таблице дифференцирования
- 2. с использованием программы идентификации (например, ErbaExpert)
- 3. используя эту кодовую книгу

Все упомянутые методы идентификации основаны на данных матрицы идентификации (частотной матрицы), то есть таблицы, содержащей таксоны, тесты и проценты положительных реакций конкретных тестов для каждого таксона. Таксоном может быть:

- род - *Morganella sp.*
- вид - *Morganella morganii*
- подвид - *Morganella morganii ssp. Morganii*

Кодовая книга содержит результаты идентификации с использованием набора НЕЙССЕРИЯтест, упорядоченного в соответствии со значением так называемых кодов профиля. Сортировка результатов по значению кода профиля позволяет легко и быстро искать. Оценка качества идентификации для каждого кода профиля основана на вычислении вероятности результата из данных матрицы идентификации; оценка приведена ниже.

Создание кода профиля:

Для более точной идентификации целесообразно преобразовать полученные результаты каждого теста (+/-) в числовой профиль (восьмеричный код). Тесты сначала делятся на группы:

GLU	MLT	FRU	SUC	GGT	TRB	SPS		
1			2			3		

Теперь получаем 2 групп по три и в одной группе один тест. В каждой группе только каждому положительному тесту даются числовые значения 1, 2 и 4:

первый тест тройки - 1

второй тест тройки - 2

третий тест тройки - 4

всем отрицательным результатам дается значение 0

GLU	MLT	FRU	SUC	GGT	TRB	SPS		
1	2	4	1	2	4	1		

При создании кода профиля для конкретного результата необходимо выполнить следующие действия:

- положительным испытаниям присваиваются 1, 2 или 4 значения
- отрицательным испытаниям всегда присваивается нулевое значение
- полученные значения суммируются в каждой тестовой группе
- итоговая группа чисел представляет собой **код профиля**

GLU +	MLT -	FRU -	SUC +	GGT +	TRB +	SPS +		
1	0	0	1	2	4	1		
1			7			1		

В этом примере был создан профиль **171**

Результаты располагаются в кодовой книге в соответствии со значением кода профиля в порядке возрастания.

ИСПОЛЬЗОВАНИЕ ИНДЕКСА ЧИСЛОВЫХ ПРОФИЛЕЙ

Найдите числовой профиль в индексе; профили систематизированы в регистре в порядке возрастания величин чисел.

Профиль сопровождается следующей информацией:

- значения 2-х индексов для каждого таксона:
 - а) процент идентификации (% id) – показатель, оценивающий насколько близко полученный профиль соответствует идентифицированному таксону по сравнению с другими таксонами, включенными в банк данных; таксоны систематизированы в соответствии с их величинами % id.
 - б) T индекс (Tin) – показывает насколько близко профиль соответствует большинству типичных реакций данного таксона. Его величина варьирует от 0 до 1 и обратно пропорциональна количеству атипичных тестов.
- перечень атипичных тестов (T. against) для первого из перечисленных таксонов с указанием процента положительных реакций, заложенных в базу данных;
- перечень дополнительных тестов – если таксоны не достаточно хорошо идентифицируются с помощью НЕЙССЕРИЯтест; дополнительные тесты приводятся с процентом положительных реакций, заложенных в базу данных;
- пояснения в случае, если качество идентификации выходит за рамки вышеперечисленных показателей;
- оценка качества идентификации, исходя из значений %id и T-index:

Процент идентификации

%id >= 99 – таксон отлично отличается от других таксонов

%id >= 95 - таксон очень хорошо отличается от других таксонов

%id >= 90 - таксон удовлетворительно отличается от других таксонов

%id < 90 - таксон неудовлетворительно отличается от других таксонов

T-индекс

T-индекс >= 0.75- типичный штамм

T-индекс >= 0.50- менее типичный штамм

T-индекс >= 0.25- атипичный штамм

T-индекс < 0.25- полностью атипичный штамм

T-индекс	%id	качество идентификации
>= 0.75	>= 0.99	ОТЛИЧНАЯ ИДЕНТИФИКАЦИЯ
>= 0.50	>= 0.95	ОЧЕНЬ ХОРОШАЯ ИДЕНТИФИКАЦИЯ
>= 0.25	>= 0.90	ХОРОШАЯ ИДЕНТИФИКАЦИЯ для первого таксона
>= 0	>= 0.90	ПРИЕМЛИМАЯ ИДЕНТИФИКАЦИЯ для первого таксона
	< 0.90	НИЗКОЕ РАЗЛИЧИЕ - выбранные таксоны относятся к разным родам ИДЕНТИФИКАЦИЯ ДО РОДА - выбраны более одного таксона того же рода ИДЕНТИФИКАЦИЯ ДО ВИДА - выбраны более чем один вид и подвид в одном образце

В случае, если профиль не найден в индексе профилей, то возможно:

- профиль является совсем атипичным и частота его встречаемости очень низкая
- профиль относится к таксону, который не включен в базу данных.

Список таксонов, используемых для создания кодовой книги

Moraxella (Branhamella) catarrhalis

Neisseria cinerea / elongata

Neisseria flavescens

Neisseria gonorrhoeae

Neisseria lactamica

Neisseria meningitidis

Neisseria polysaccharea

Neisseria sicca / mucosa

Neisseria subflava

Список тестов, используемых для создания кода профиля

Базовый набор тестов

GLU глюкоза
MLT мальтоза
FRU фруктоза
SUC сахароза
GGT λ -глутамил-трансфераза
TRB трибутирин
SPS синтез полисахаридов

Дополнительные (отличительные) тесты

ONP β -галактозидаза
OXI оксидаза
DNA ДНКаза
TMA селективная среда, агар по Thayer-Martin

Code Taxon	ID score	T index	tests against	Differentiation tests		Code
000	Good identification					000
				DNA	TMA	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	91.48	1.00		3	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	2.83	0.53		3	97	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	2.83	0.53		97	3	
001	Very good identification					001
				TMA		
<i>Neisseria flavescens</i>	96.71	1.00		3		
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	3.05	0.53		3		
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	0.09	0.06		97		
010	Good identification					010
				DNA	TMA	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	91.56	0.53	SUC 3	3	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	2.83	0.06		3	97	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	2.83	0.06		97	3	
011	Very good identification					011
				TMA		
<i>Neisseria flavescens</i>	95.43	0.53	SUC 3	3		
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	3.01	0.06		3		
<i>Neisseria polysaccharea</i>	1.55	0.06		97		
020	Good identification					020
				DNA	TMA	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	90.25	0.53	GGT 3	3	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	2.79	0.06		3	97	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	2.79	0.06		97	3	
021	Very good identification					021
<i>Neisseria flavescens</i>	96.94	0.53	GGT 3			
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	3.06	0.06				
040	Very good identification					040
				DNA	TMA	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	96.82	1.00		97	3	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	3.00	0.53		3	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	0.09	0.06		3	97	
041	Low discrimination					041
				DNA		
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	49.74	0.53	SPS 3	97		
<i>Neisseria flavescens</i>	48.72	0.53		3		
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	1.54	0.06		3		
050	Very good identification					050
				DNA		
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	97.00	0.53	SUC 3	97		
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	3.00	0.06		3		
060	Very good identification					060
				DNA	TMA	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	95.52	0.53	GGT 3	97	3	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	2.95	0.06		3	3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	1.52	0.06		3	97	
100	Good identification					100
				ONP	TMA	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	93.73	1.00		3	97	
<i>Neisseria lactamica</i>	2.90	0.53		97	97	

Code	ID	T	tests	Differentiation tests	Code
Taxon	score	index	against		
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	2.90	0.53		3 3	
101	Low discrimination				101
				TMA	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	38.06	0.53	SPS 3	97	
<i>Neisseria flavescens</i>	37.28	0.53		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	19.62	0.53		97	
110	Low discrimination				110
				ONP TMA	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	87.08	0.53	SUC 3	3 97	
<i>Neisseria subflava</i>	6.15	0.53		3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	2.69	0.06		97 97	
111	Low discrimination				111
				TMA	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	77.72	0.53	MLT 97	97	
<i>Neisseria subflava</i>	10.65	0.53		3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	4.66	0.06		97	
120	Low discrimination				120
				TMA	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	60.68	0.53	GGT 3	97	
<i>Neisseria meningitidis</i>	31.28	0.53		97	
<i>Neisseria subflava</i>	4.28	0.53		3	
121	Low discrimination				121
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	43.13	0.53	MLT 97	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	18.89	0.06		97	
<i>Neisseria flavescens</i>	18.50	0.06		3	
130	Low discrimination				130
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	60.10	0.53	MLT 97	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	26.33	0.06		97	
<i>Neisseria meningitidis</i>	13.57	0.06		97	
131	Low discrimination				131
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	68.89	0.53	MLT 97	3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	15.56	0.06		97	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	15.56	0.06		3	
140	Low discrimination				140
				ONP DNA TMA	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	48.13	0.53	TRB 3	3 3 97	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	48.13	0.53		3 97 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	1.49	0.06		97 3 97	
160	Low discrimination				160
				DNA TMA	
<i>Neisseria meningitidis</i>	89.29	0.53	MLT 97	3 97	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	5.36	0.06		3 97	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	5.36	0.06		97 3	
200	Low discrimination				200
				ONP TMA	
<i>Neisseria lactamica</i>	45.13	0.53	GLU 97	97 97	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	45.13	0.53		3 3	
<i>Neisseria subflava</i>	3.19	0.53		3 3	
201	Low discrimination				201

Code Taxon	ID score	T index	tests against	Differentiation tests			Code
				TMA			
<i>Neisseria flavescens</i>	72.01	0.60	MLT 5	3			
<i>Neisseria polysaccharea</i>	22.27	0.53		97			
<i>Neisseria subflava</i>	3.05	0.53		3			
210	Low discrimination						210
				ONP TMA			
<i>Neisseria subflava</i>	47.57	0.53	GLU 97	3	3		
<i>Neisseria lactamica</i>	20.84	0.06		97	97		
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	20.84	0.06		3	3		
211	Low discrimination						211
				TMA			
<i>Neisseria polysaccharea</i>	78.87	0.53	GLU 97	97			
<i>Neisseria subflava</i>	10.80	0.53		3			
<i>Neisseria flavescens</i>	7.89	0.13		3			
220	Low discrimination						220
				ONP TMA			
<i>Neisseria meningitidis</i>	79.56	0.53	GLU 97	3	97		
<i>Neisseria subflava</i>	10.90	0.53		3	3		
<i>Neisseria lactamica</i>	4.77	0.06		97	97		
221	Low discrimination						221
				TMA			
<i>Neisseria subflava</i>	45.83	0.53	GLU 97	3			
<i>Neisseria flavescens</i>	33.47	0.13		3			
<i>Neisseria meningitidis</i>	10.35	0.06		97			
230	Low discrimination						230
				TMA			
<i>Neisseria subflava</i>	81.58	0.53	GLU 97	3			
<i>Neisseria meningitidis</i>	18.42	0.06		97			
231	Low discrimination						231
				TMA			
<i>Neisseria subflava</i>	68.89	0.53	GLU 97	3			
<i>Neisseria polysaccharea</i>	15.56	0.06		97			
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	15.56	0.06		3			
240	Good identification						240
				ONP DNA TMA			
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	92.78	0.53	MLT 3	3	97	3	
<i>Neisseria lactamica</i>	2.87	0.06		97	3	97	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	2.87	0.06		3	3	3	
260	Good identification						260
				DNA TMA			
<i>Neisseria meningitidis</i>	94.34	0.53	GLU 97	3	97		
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	5.66	0.06		97	3		
300	Low discrimination						300
				ONP TMA			
<i>Neisseria lactamica</i>	88.16	1.00		97	97		
<i>Neisseria subflava</i>	6.22	1.00		3	3		
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	2.73	0.53		3	97		
301	Low discrimination						301
				ONP TMA			
<i>Neisseria polysaccharea</i>	83.07	1.00		3	97		
<i>Neisseria subflava</i>	11.38	1.00		3	3		
<i>Neisseria lactamica</i>	4.98	0.53		97	97		

Code Taxon	ID score	T index	tests against	Differentiation tests	Code
310	Low discrimination				310
				ONP TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	59.12	1.00		3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	25.90	0.53		97 97	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	13.35	0.53		3 97	
311	Low discrimination				311
				TMA	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	85.49	1.00		97	
<i>Neisseria subflava</i>	11.71	1.00		3	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	2.64	0.53		3	
320	Low discrimination				320
				ONP TMA	
<i>Neisseria meningitidis</i>	83.35	1.00		3 97	
<i>Neisseria subflava</i>	11.42	1.00		3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	5.00	0.53		97 97	
321	Low discrimination				321
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	67.93	1.00		3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	15.34	0.53		97	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	15.34	0.53		97	
330	Low discrimination				330
				ONP TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	79.79	1.00		3 3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	18.02	0.53		3 97	
<i>Neisseria lactamica</i>	1.08	0.06		97 97	
331	Low discrimination				331
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	68.56	1.00		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	15.48	0.53		97	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	15.48	0.53		3	
340	Low discrimination				340
				ONP TMA	
<i>Neisseria lactamica</i>	60.10	0.53	TRB 3	97 97	
<i>Neisseria meningitidis</i>	30.98	0.53		3 97	
<i>Neisseria subflava</i>	4.24	0.53		3 3	
341	Low discrimination				341
				ONP TMA	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	81.44	0.53	TRB 3	3 97	
<i>Neisseria subflava</i>	11.15	0.53		3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	4.89	0.06		97 97	
350	Low discrimination				350
				ONP TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	52.92	0.53	TRB 3	3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	23.18	0.06		97 97	
<i>Neisseria meningitidis</i>	11.95	0.06		3 97	
351	Low discrimination				351
				TMA	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	85.63	0.53	TRB 3	97	
<i>Neisseria subflava</i>	11.73	0.53		3	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	2.65	0.06		3	
360	Excellent identification				360
				ONP TMA	

Code Taxon	ID score	T index	tests against	Differentiation tests	Code
<i>Neisseria meningitidis</i>	99.40	1.00		3 97	
<i>Neisseria subflava</i>	0.42	0.53		3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	0.18	0.06		97 97	
361	Low discrimination				361
				TMA	
<i>Neisseria meningitidis</i>	85.63	0.53	SPS 3	97	
<i>Neisseria subflava</i>	11.73	0.53		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	2.65	0.06		97	
370	Low discrimination				370
				TMA	
<i>Neisseria meningitidis</i>	87.95	0.53	SUC 3	97	
<i>Neisseria subflava</i>	12.05	0.53		3	
371	Low discrimination				371
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	59.61	0.53	TRB 3	3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	13.46	0.06		97	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	13.46	0.06		97	
400	Good identification				400
				DNA TMA	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	91.56	0.53	FRU 3	3 3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	2.83	0.06		3 97	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	2.83	0.06		97 3	
401	Very good identification				401
<i>Neisseria flavescens</i>	96.94	0.53	FRU 3		
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	3.06	0.06			
440	Very good identification				440
				DNA	
<i>Moraxella (Branhamella) catarrhalis</i>	97.00	0.53	FRU 3	97	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	3.00	0.06		3	
500	Low discrimination				500
				ONP TMA	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	88.30	0.53	FRU 3	3 97	
<i>Neisseria subflava</i>	6.23	0.53		3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	2.73	0.06		97 97	
501	Low discrimination				501
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	43.13	0.53	MLT 97	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	18.89	0.06		97	
<i>Neisseria flavescens</i>	18.50	0.06		3	
510	Low discrimination				510
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	60.10	0.53	MLT 97	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	26.33	0.06		97	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	13.57	0.06		3	
511	Low discrimination				511
				TMA	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	85.63	0.53	MLT 97	3	
<i>Neisseria subflava</i>	11.73	0.53		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	2.65	0.06		97	
520	Low discrimination				520
				TMA	

Code	ID	T	tests	Differentiation tests	Code
Taxon	score	index	against		
<i>Neisseria subflava</i>	60.10	0.53	MLT 97	3	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	26.33	0.06		97	
<i>Neisseria meningitidis</i>	13.57	0.06		97	
521	Low discrimination				521
<i>Neisseria subflava</i>	81.58	0.53	MLT 97		
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.42	0.06			
530	Low discrimination				530
<i>Neisseria subflava</i>	81.58	0.53	MLT 97		
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.42	0.06			
531	Low discrimination				531
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	87.95	0.53	MLT 97		
<i>Neisseria subflava</i>	12.05	0.53			
600	Low discrimination				600
				ONP TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	53.30	0.53	GLU 97	3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	23.35	0.06		97 97	
<i>Neisseria cinerea / elongata</i>	23.35	0.06		3 3	
601	Low discrimination				601
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	45.83	0.53	GLU 97	3	
<i>Neisseria flavescens</i>	33.47	0.13		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	10.35	0.06		97	
610	Low discrimination				610
<i>Neisseria subflava</i>	81.58	0.53	GLU 97		
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.42	0.06			
611	Low discrimination				611
				TMA	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	85.63	0.53	GLU 97	3	
<i>Neisseria subflava</i>	11.73	0.53		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	2.65	0.06		97	
620	Low discrimination				620
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	81.58	0.53	GLU 97	3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	18.42	0.06		97	
621	Low discrimination				621
<i>Neisseria subflava</i>	81.58	0.53	GLU 97		
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.42	0.06			
630	Low discrimination				630
<i>Neisseria subflava</i>	81.58	0.53	GLU 97		
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.42	0.06			
631	Low discrimination				631
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	87.95	0.53	GLU 97		
<i>Neisseria subflava</i>	12.05	0.53			
700	Low discrimination				700

ONP TMA

Code Taxon	ID score	T index	tests against	Differentiation tests	Code
<i>Neisseria subflava</i>	67.91	1.00		3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	29.75	0.53		97 97	
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	0.92	0.06		3 97	
701	Low discrimination				701
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	68.25	1.00		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	15.41	0.53		97	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	15.41	0.53		3	
710	Low discrimination				710
				ONP TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	80.23	1.00		3 3	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.12	0.53		3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	1.09	0.06		97 97	
711	Low discrimination				711
				TMA	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	85.63	1.00		3	
<i>Neisseria subflava</i>	11.73	1.00		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	2.65	0.53		97	
720	Low discrimination				720
				ONP TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	80.23	1.00		3 3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	18.12	0.53		3 97	
<i>Neisseria lactamica</i>	1.09	0.06		97 97	
721	Low discrimination				721
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	80.66	1.00		3	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.21	0.53		3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	0.56	0.06		97	
730	Low discrimination				730
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	81.12	1.00		3	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.32	0.53		3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	0.57	0.06		97	
731	Low discrimination				731
				TMA	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	87.88	1.00		3	
<i>Neisseria subflava</i>	12.04	1.00		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	0.08	0.06		97	
740	Low discrimination				740
				ONP TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	60.10	0.53	TRB 3	3 3	
<i>Neisseria lactamica</i>	26.33	0.06		97 97	
<i>Neisseria meningitidis</i>	13.57	0.06		3 97	
741	Low discrimination				741
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	68.89	0.53	TRB 3	3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	15.56	0.06		97	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	15.56	0.06		3	
750	Low discrimination				750
<i>Neisseria subflava</i>	81.58	0.53	TRB 3		
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	18.42	0.06			

Code Taxon	ID score	T index	tests against	Differentiation tests	Code
751	Low discrimination				751
				TMA	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	85.63	0.53	TRB 3	3	
<i>Neisseria subflava</i>	11.73	0.53		3	
<i>Neisseria polysaccharea</i>	2.65	0.06		97	
760	Low discrimination				760
				TMA	
<i>Neisseria meningitidis</i>	87.95	0.53	FRU 3	97	
<i>Neisseria subflava</i>	12.05	0.53		3	
761	Low discrimination				761
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	68.89	0.53	TRB 3	3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	15.56	0.06		97	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	15.56	0.06		3	
770	Low discrimination				770
				TMA	
<i>Neisseria subflava</i>	68.89	0.53	TRB 3	3	
<i>Neisseria meningitidis</i>	15.56	0.06		97	
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	15.56	0.06		3	
771	Low discrimination				771
<i>Neisseria sicca / mucosa</i>	87.95	0.53	TRB 3		
<i>Neisseria subflava</i>	12.05	0.53			

